

# SEQUENCE LISTING

<110> Benson, Timothy E

<120> CRYSTALLIZATION AND STRUCTURE DETERMINATION OF  
GLYCOSYLATED HUMAN BETA SECRETASE, AN ENZYME IMPLICATED  
IN ALZHEIMER'S DISEASE

<130> 00481.CP

<140> Unassigned

<141> 2001-03-14

<150> 09/747,420

<151> 2000-12-23

<160> 1

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 385

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 1

Glu	Met	Val	Asp	Asn	Leu	Arg	Gly	Lys	Ser	Gly	Gln	Gly	Tyr	Tyr	Val
1				5				10					15		

Glu	Met	Thr	Val	Gly	Ser	Pro	Pro	Gln	Thr	Leu	Asn	Ile	Leu	Val	Asp
			20					25					30		

Thr	Gly	Ser	Ser	Asn	Phe	Ala	Val	Gly	Ala	Ala	Pro	His	Pro	Phe	Leu
		35					40					45			

His	Arg	Tyr	Tyr	Gln	Arg	Gln	Leu	Ser	Ser	Thr	Tyr	Arg	Asp	Leu	Arg
	50					55					60				

Lys	Gly	Val	Tyr	Val	Pro	Tyr	Thr	Gln	Gly	Lys	Trp	Glu	Gly	Glu	Leu
65					70					75				80	

Gly	Thr	Asp	Leu	Val	Ser	Ile	Pro	His	Gly	Pro	Asn	Val	Thr	Val	Arg
			85						90					95	

Ala	Asn	Ile	Ala	Ala	Ile	Thr	Glu	Ser	Asp	Lys	Phe	Phe	Ile	Asn	Gly
		100						105					110		

Ser	Asn	Trp	Glu	Gly	Ile	Leu	Gly	Leu	Ala	Tyr	Ala	Glu	Ile	Ala	Arg
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Pro Asp Asp Ser Leu Glu Pro Phe Phe Asp Ser Leu Val Lys Gln Thr  
130 135 140

His Val Pro Asn Leu Phe Ser Leu Gln Leu Cys Gly Ala Gly Phe Pro  
145 150 155 160

Leu Asn Gln Ser Glu Val Leu Ala Ser Val Gly Gly Ser Met Ile Ile  
165 170 175

Gly Gly Ile Asp His Ser Leu Tyr Thr Gly Ser Leu Trp Tyr Thr Pro  
180 185 190

Ile Arg Arg Glu Trp Tyr Tyr Glu Val Ile Ile Val Arg Val Glu Ile  
195 200 205

Asn Gly Gln Asp Leu Lys Met Asp Cys Lys Glu Tyr Asn Tyr Asp Lys  
210 215 220

Ser Ile Val Asp Ser Gly Thr Thr Asn Leu Arg Leu Pro Lys Lys Val  
225 230 235 240

Phe Glu Ala Ala Val Lys Ser Ile Lys Ala Ala Ser Ser Thr Glu Lys  
245 250 255

Phe Pro Asp Gly Phe Trp Leu Gly Glu Gln Leu Val Cys Trp Gln Ala  
260 265 270

Gly Thr Thr Pro Trp Asn Ile Phe Pro Val Ile Ser Leu Tyr Leu Met  
275 280 285

Gly Glu Val Thr Asn Gln Ser Phe Arg Ile Thr Ile Leu Pro Gln Gln  
290 295 300

Tyr Leu Arg Pro Val Glu Asp Val Ala Thr Ser Gln Asp Asp Cys Tyr  
305 310 315 320

Lys Phe Ala Ile Ser Gln Ser Ser Thr Gly Thr Val Met Gly Ala Val  
325 330 335

Ile Met Glu Gly Phe Tyr Val Val Phe Asp Arg Ala Arg Lys Arg Ile  
340 345 350

Gly Phe Ala Val Ser Ala Cys His Val His Asp Glu Phe Arg Thr Ala  
355 360 365

Ala Val Glu Gly Pro Phe Val Thr Leu Asp Met Glu Asp Cys Gly Tyr

370

375

380

Asn

385

385  
386  
387  
388  
389  
390  
391  
392  
393  
394  
395  
396  
397  
398  
399  
400  
401  
402  
403  
404  
405  
406  
407  
408  
409  
410  
411  
412  
413  
414  
415  
416  
417  
418  
419  
420  
421  
422  
423  
424  
425  
426  
427  
428  
429  
430  
431  
432  
433  
434  
435  
436  
437  
438  
439  
440  
441  
442  
443  
444  
445  
446  
447  
448  
449  
450  
451  
452  
453  
454  
455  
456  
457  
458  
459  
460  
461  
462  
463  
464  
465  
466  
467  
468  
469  
470  
471  
472  
473  
474  
475  
476  
477  
478  
479  
480  
481  
482  
483  
484  
485  
486  
487  
488  
489  
490  
491  
492  
493  
494  
495  
496  
497  
498  
499  
500  
501  
502  
503  
504  
505  
506  
507  
508  
509  
510  
511  
512  
513  
514  
515  
516  
517  
518  
519  
520  
521  
522  
523  
524  
525  
526  
527  
528  
529  
530  
531  
532  
533  
534  
535  
536  
537  
538  
539  
540  
541  
542  
543  
544  
545  
546  
547  
548  
549  
550  
551  
552  
553  
554  
555  
556  
557  
558  
559  
560  
561  
562  
563  
564  
565  
566  
567  
568  
569  
570  
571  
572  
573  
574  
575  
576  
577  
578  
579  
580  
581  
582  
583  
584  
585  
586  
587  
588  
589  
590  
591  
592  
593  
594  
595  
596  
597  
598  
599  
600  
601  
602  
603  
604  
605  
606  
607  
608  
609  
610  
611  
612  
613  
614  
615  
616  
617  
618  
619  
620  
621  
622  
623  
624  
625  
626  
627  
628  
629  
630  
631  
632  
633  
634  
635  
636  
637  
638  
639  
640  
641  
642  
643  
644  
645  
646  
647  
648  
649  
650  
651  
652  
653  
654  
655  
656  
657  
658  
659  
660  
661  
662  
663  
664  
665  
666  
667  
668  
669  
670  
671  
672  
673  
674  
675  
676  
677  
678  
679  
680  
681  
682  
683  
684  
685  
686  
687  
688  
689  
690  
691  
692  
693  
694  
695  
696  
697  
698  
699  
700  
701  
702  
703  
704  
705  
706  
707  
708  
709  
710  
711  
712  
713  
714  
715  
716  
717  
718  
719  
720  
721  
722  
723  
724  
725  
726  
727  
728  
729  
730  
731  
732  
733  
734  
735  
736  
737  
738  
739  
740  
741  
742  
743  
744  
745  
746  
747  
748  
749  
750  
751  
752  
753  
754  
755  
756  
757  
758  
759  
760  
761  
762  
763  
764  
765  
766  
767  
768  
769  
770  
771  
772  
773  
774  
775  
776  
777  
778  
779  
780  
781  
782  
783  
784  
785  
786  
787  
788  
789  
790  
791  
792  
793  
794  
795  
796  
797  
798  
799  
800  
801  
802  
803  
804  
805  
806  
807  
808  
809  
810  
811  
812  
813  
814  
815  
816  
817  
818  
819  
820  
821  
822  
823  
824  
825  
826  
827  
828  
829  
830  
831  
832  
833  
834  
835  
836  
837  
838  
839  
840  
841  
842  
843  
844  
845  
846  
847  
848  
849  
850  
851  
852  
853  
854  
855  
856  
857  
858  
859  
860  
861  
862  
863  
864  
865  
866  
867  
868  
869  
870  
871  
872  
873  
874  
875  
876  
877  
878  
879  
880  
881  
882  
883  
884  
885  
886  
887  
888  
889  
890  
891  
892  
893  
894  
895  
896  
897  
898  
899  
900  
901  
902  
903  
904  
905  
906  
907  
908  
909  
910  
911  
912  
913  
914  
915  
916  
917  
918  
919  
920  
921  
922  
923  
924  
925  
926  
927  
928  
929  
930  
931  
932  
933  
934  
935  
936  
937  
938  
939  
940  
941  
942  
943  
944  
945  
946  
947  
948  
949  
950  
951  
952  
953  
954  
955  
956  
957  
958  
959  
960  
961  
962  
963  
964  
965  
966  
967  
968  
969  
970  
971  
972  
973  
974  
975  
976  
977  
978  
979  
980  
981  
982  
983  
984  
985  
986  
987  
988  
989  
990  
991  
992  
993  
994  
995  
996  
997  
998  
999  
1000